

SI 2. Uncorrected Intraspecific pairwise p-distances within *Hylarana* species from Western Ghats–Sri Lanka Biodiversity hotspot. The table gives mean and standard deviation values over all pairwise comparisons among individuals or populations of a species, and minimum and maximum values are recorded. N is the number of sequences. The original p-distances are shown as percentages.

Species	16S					COI					CytB				
	N	Mean	SD	Min	Max	N	Mean	SD	Min	Max	N	Mean	SD	Min	Max
<i>H. aurantiaca</i>	5	0,2	0,1	0	0,4	6	0,1	0,1	0	0,4	7	0	0	0	0
<i>H. intermedius</i>	9	0,2	0,1	0	0,4	9	0,4	0,3	0	0,7	9	1,7	1,8	0	5,3
<i>H. doni</i>	8	0,2	0,2	0	0,6	9	0,4	0,3	0	1	10	0,5	0,5	0	1,2
<i>H. urbis</i>	3	0	0	0	0	3	0,1	0,1	0	0,2	3	0,4	0,3	0	0,6
<i>H. caesari</i>	3	0,3	0,2	0	0,4	2	0,5	–	–	–	3	0,9	0,7	0	1,4
<i>H. sreeni</i>	12	0,8	0,6	0	1,5	12	2,3	1,4	0	3,6	14	3,7	2,2	0	6,1
<i>H. indica</i>	9	0,2	0,2	0	0,6	11	1,3	1	0	3,1	11	3	2,3	0	6,2
<i>H. magna</i>	4	0,2	0,1	0	0,4	4	0	0	0	0	5	0,7	0,8	0	2,1
<i>H. flavescens</i>	4	0,3	0,2	0	0,4	4	1	0,7	0	1,7	4	1,2	0,5	0,7	1,9
<i>H. montanus</i>	7	0,5	0,2	0	0,7	7	1,1	0,6	0	2,2	8	1,8	1,4	0	5,3
<i>H. serendipi</i>	3	0,1	0,1	0	0,2	3	0,9	0,5	0,3	1,2	2	1,8	–	–	–
<i>H. temporalis</i>	7	0,1	0,1	0	0,2	9	0,3	0,2	0	0,7	10	0,5	0,4	0	1,3
<i>H. gracilis</i>	7	0,4	0,3	0	0,9	7	0,5	0,3	0	1	7	1,2	0,9	0	2,4
<i>H. malabarica</i>	1	–	–	–	–	1	–	–	–	–	1	–	–	–	–
<i>H. malabarica</i> hap1	3	0,2	0,2	0	0,4	3	0,2	0,1	0,2	0,3	3	1	0,7	0,2	1,5